

## Appendix 1: Genetic Variation in Brook Trout Collections from New Jersey

TABLE A1.1.—Allele sizes at 13 microsatellite DNA markers for 238 brook trout from 23 collections from New Jersey. See Table 1 for collection abbreviations that correspond to sample prefixes.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
FOR-14	221 221	116 116	175 183	143 143	120 123	101 101	184 187	130 151	243 243	221 230	176 188	228 256	226 226	
FOR-15	219 219	110 116	175 179	143 143	120 120	101 101	184 184	130 151	243 243	221 230	200 208	252 260	274 282	
FOR-16	219 219	110 116	179 179	143 143	120 120	110 110	181 190	142 145	241 243	224 224	176 200	236 240	218 218	
FOR-17	221 221	116 119	175 177	143 143	120 120	101 110	184 184	130 151	239 241	221 221	176 208	228 244	218 238	
FOR-18	221 223	110 116	175 183	143 143	120 123	101 101	181 184	151 151	241 243	230 230	188 208	236 256	218 218	
FOR-19	219 223	116 119	175 179	143 143	120 120	119 119	184 184	148 148	241 243	221 230	176 176	232 236	218 234	
FOR-20	221 221	113 116	167 175	143 143	120 120	101 116	184 187	130 145	239 239	221 230	180 200	216 220	218 226	
FOR-21	221 223	116 119	179 183	143 143	120 123	101 110	184 184	130 151	239 243	230 230	188 208	236 256	226 238	
FOR-22	221 223	116 119	175 183	143 143	120 120	101 101	181 184	142 151	241 243	221 230	180 208	232 248	218 226	
VCB-01	219 221	119 119	167 175	143 146	120 120	101 101	184 184	145 151	243 305	224 230	180 208	216 252	226 274	
VCB-02	211 223	119 119	167 175	143 146	120 120	101 119	184 193	133 133	239 305	221 221	208 208	212 224	218 234	
VCB-04	219 223	119 119	175 187	143 143	120 120	113 113	184 184	142 145	237 239	221 224	212 212	232 232	218 234	
VCB-08	221 223	119 119	167 175	143 143	120 120	101 101	187 187	142 142	243 305	221 221	176 212	216 216	214 218	
VCB-09	221 221	119 119	175 187	143 143	120 120	101 101	187 193	142 145	309 325	221 224	176 208	216 224	218 218	
VCB-10	219 221	119 119	167 175	143 143	120 120	101 101	184 190	142 145	243 305	221 221	176 208	224 236	210 274	
VCB-11	211 221	119 119	187 187	143 143	120 120	101 113	187 187	133 133	243 329	230 230	176 204	216 224	214 218	
VCB-12	219 221	119 119	175 175	143 146	120 120	101 101	184 184	145 154	243 305	224 230	176 184	216 216	222 226	
VCB-13	215 221	119 119	175 179	146 146	120 123	101 119	187 190	124 130	241 243	230 230	176 176	232 236	214 214	
IND-01	223 223	119 119	179 183	143 143	120 120	101 119	184 190	133 151	239 243	230 230	176 184	232 240	210 246	
IND-02	223 223	113 116	179 179	143 143	120 120	101 110	184 184	133 151	243 341	230 230	180 224	212 240	210 246	
IND-03	219 223	116 122	175 179	143 143	120 120	101 101	184 190	133 151	235 243	221 230	176 188	236 240	218 218	
IND-04	223 223	116 122	175 179	143 143	120 120	101 119	190 190	133 151	235 243	230 230	176 180	212 240	210 218	
IND-05	223 223	116 116	175 179	140 149	120 120	101 119	184 184	148 148	239 243	221 230	180 180	212 236	210 218	
IND-06	219 223	116 116	179 179	143 143	120 120	101 113	184 184	133 133	239 241	221 221	180 224	236 240	210 234	
IND-07	223 223	116 119	179 179	143 143	120 120	101 119	184 190	133 151	243 341	230 230	180 184	240 240	210 246	
IND-08	221 223	116 119	175 179	143 146	120 120	101 119	190 196	133 148	235 341	230 230	176 180	228 240	210 218	

TABLE A1.1.—Continued.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
IND-09	223 223	116 116	179 179	143 143	120 120	101 119	184 184	133 148	241 243	221 233	180 180	232 236	210 234	
IND-10	223 223	116 119	179 183	143 143	120 120	119 119	184 184	133 151	239 243	230 230	176 224	212 240	210 234	
IND-11	223 223	116 122	179 179	143 143	120 120	101 119	184 190	133 133	235 239	221 230	176 180	236 240	218 218	
HWH-01	215 215	116 116	179 183	143 143	120 120	110 110	187 190	130 130	241 305	224 230	180 220	208 208	206 230	
HWH-02	215 221	116 116	175 183	146 146	120 120	101 110	187 190	130 139	243 317	230 233	176 220	212 224	218 234	
HWH-03	219 221	116 116	175 183	146 146	120 120	101 110	187 193	130 139	243 317	230 230	180 220	208 224	218 258	
HWH-04	217 221	116 116	179 183	143 146	120 120	101 116	190 193	133 139	241 317	230 233	220 220	208 228	230 230	
HWH-05	219 219	110 116	183 187	146 146	120 120	110 110	187 187	130 145	243 317	230 233	220 220	224 224	218 234	
HWH-06	215 221	116 116	183 187	146 146	120 120	101 101	187 190	130 133	243 317	230 233	180 220	212 224	218 258	
HWH-07	215 221	116 116	183 183	143 146	120 120	101 110	187 190	130 139	241 305	230 233	180 180	208 228	230 230	
HWH-08	215 221	116 116	179 183	143 143	120 120	110 110	190 190	130 139	241 305	233 233	180 180	228 228	206 230	
KUR-01	219 219	122 122	175 179	140 146	120 120	110 119	184 187	151 154	241 243	230 230	180 208	236 236	226 226	
KUR-02	219 219	110 122	171 183	140 146	120 120	101 110	184 184	130 151	241 241	221 230	208 220	208 244	270 242	
KUR-03	219 223	110 122	175 183	140 140	120 120	110 110	184 184	130 154	241 243	221 221	176 208	208 236	210 242	
KUR-04	219 221	110 110	183 183	140 146	120 120	110 110	187 187	154 154	241 243	221 230	216 220	236 236	210 242	
KUR-05	219 219	116 116	171 183	140 140	120 120	110 110	187 187	151 151	241 243	221 230	180 208	236 236	226 242	
KUR-06	219 219	110 122	183 183	140 140	120 120	101 101	184 184	130 154	243 243	221 221	208 216	208 244	210 226	
KUR-08	219 221	116 116	183 183	140 140	120 120	110 110	184 187	151 154	241 241	221 230	216 220	208 236	226 226	
KUR-09	219 221	116 122	183 183	140 143	120 120	110 110	184 184	133 151	241 243	221 230	208 220	236 244	226 242	
KUR-10	219 219	110 110	171 183	140 146	120 120	110 110	184 187	154 154	241 243	221 221	216 220	236 236	210 242	
MAS-01	217 217	116 116	175 183	143 146	120 120	101 119	184 184	151 151	301 301	230 230	208 208	216 216	218 218	
MAS-02	217 217	116 116	175 175	143 143	120 120	101 119	184 190	151 151	301 301	230 233	212 212	216 228	218 218	
MAS-03	221 221	116 116	175 183	143 146	120 120	101 119	184 190	151 151	301 301	233 233	208 212	216 228	218 218	
MAS-05	217 217	116 116	175 183	143 143	120 120	101 101	184 187	151 151	301 301	230 233	208 212	216 216	218 218	
MAS-06	217 221	116 116	175 183	143 146	120 120	101 119	190 190	151 151	301 301	230 233	208 212	228 228	218 218	
MAS-07	217 217	116 116	175 175	143 143	120 120	119 119	187 190	151 151	301 301	230 230	208 208	228 228	218 218	
MAS-08	217 217	116 116	175 175	143 146	120 120	101 119	184 187	151 151	301 301	230 233	208 208	216 228	218 218	
MAS-09	217 217	116 116	175 183	143 146	120 120	101 101	184 190	151 151	301 301	230 230	208 212	216 228	218 218	
MAS-10	217 221	116 116	175 183	143 146	120 120	101 119	184 190	151 151	301 301	233 233	208 208	216 228	218 218	

TABLE A1.1.—Continued.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
MPO-01	211 215	116 116	183 183	143 143	120 120	110 116	181 193	130 151	241 297	233 233	204 204	216 260	218 218	
MPO-02	211 221	116 116	183 183	143 143	120 120	110 116	181 193	130 151	241 305	218 233	184 204	232 260	218 218	
MPO-03	215 215	116 116	183 187	143 143	120 120	110 116	181 193	130 151	239 297	227 230	184 204	228 260	218 218	
MPO-04	221 221	116 116	183 187	143 143	120 120	110 116	181 181	142 151	297 305	224 230	176 184	228 228	210 210	
MPO-05	191 215	116 116	183 183	149 149	120 120	101 110	181 187	145 151	305 305	224 230	188 204	228 232	206 218	
MPO-06	191 215	113 116	183 183	143 149	120 120	101 110	181 184	130 151	237 305	230 230	188 204	228 232	206 218	
MPO-07	191 221	116 116	183 183	146 146	120 120	116 116	181 193	151 151	237 305	230 230	204 208	228 260	206 218	
MPO-08	215 221	116 116	183 183	143 146	120 120	101 116	181 184	130 151	305 305	230 230	000 000	228 232	206 210	
MPO-09	191 215	116 116	183 187	143 146	120 120	116 116	184 193	130 130	237 239	224 230	204 204	228 260	210 218	
MPO-10	221 221	116 116	183 187	143 143	120 120	110 110	181 181	130 142	239 305	227 230	184 204	228 232	210 218	
CRE-01	223 223	116 116	179 183	140 143	120 120	101 116	190 196	133 151	000 000	230 230	180 192	216 240	210 218	
CRE-02	221 223	116 116	175 175	140 143	120 120	101 101	190 190	133 133	325 325	230 230	184 192	216 216	218 234	
CRE-03	221 223	116 119	175 183	143 143	120 120	110 122	196 196	133 133	333 333	230 230	180 192	216 240	210 218	
CRE-04	221 223	116 119	175 183	143 143	120 120	101 122	196 196	133 133	325 333	230 230	180 192	216 240	210 218	
CRE-05	221 221	116 116	179 183	143 143	120 120	101 101	187 196	130 133	325 333	230 230	188 192	216 216	210 210	
CRE-06	221 223	116 116	175 175	140 143	120 120	101 122	190 190	133 133	325 333	230 230	180 184	216 216	210 234	
CRE-07	221 223	116 116	175 179	140 140	120 120	101 101	187 190	130 133	325 333	230 230	184 188	216 216	218 218	
CRE-08	221 223	116 116	175 183	143 143	120 120	101 122	196 196	133 151	325 333	230 230	180 192	216 240	210 234	
CRE-09	223 223	116 116	175 175	140 143	120 120	101 116	196 196	133 151	333 333	230 230	184 192	216 240	210 218	
CRE-10	221 221	116 116	175 179	140 143	120 120	110 122	196 196	133 133	325 333	230 230	180 180	216 240	210 234	
CRE-11	221 223	116 116	179 191	140 143	120 120	101 116	190 196	130 133	325 333	230 230	180 188	216 216	218 218	
PRE-01	221 227	119 119	191 195	143 146	120 120	110 113	184 184	145 154	353 353	227 230	180 212	208 208	226 230	
PRE-02	215 221	119 119	191 191	146 146	120 120	113 113	184 184	145 145	353 353	227 230	180 212	208 220	230 230	
PRE-03	215 221	119 119	191 191	146 146	120 120	110 113	184 184	145 145	353 353	227 227	204 212	208 208	230 230	
PRE-04	221 227	119 119	191 191	143 146	120 120	110 113	184 184	145 145	353 353	227 230	212 212	208 208	226 230	
PRE-05	227 227	119 119	191 191	143 146	120 120	110 110	184 184	145 154	345 353	230 230	212 212	208 208	226 230	
PRE-06	221 227	119 119	191 191	143 143	120 120	113 113	184 184	145 145	353 353	227 227	204 204	208 208	230 230	
PRE-07	221 227	119 119	191 191	143 146	120 120	110 110	184 184	145 154	345 353	230 230	204 212	208 208	226 230	
PRE-08	215 227	119 119	191 195	143 146	120 120	110 113	184 187	145 154	353 353	227 230	180 212	208 208	226 230	

TABLE A1.1.—Continued.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
PRE-09	215 221	119 119	191 191	143 143	120 120	113 113	184 184	145 145	353 353	227 227	204 212	208 220	230 230	
PRE-10	215 221	119 119	191 191	143 146	120 120	110 110	184 187	145 145	353 353	227 227	204 204	208 208	230 230	
PRE-11	215 227	119 119	191 191	146 146	120 120	110 110	184 184	145 154	345 353	230 230	212 212	208 208	226 230	
HAV-01	219 221	116 119	179 179	140 143	120 120	119 125	184 184	130 145	241 349	230 230	176 180	220 224	218 218	
HAV-02	219 223	116 119	175 179	140 143	120 120	125 125	184 184	145 151	241 345	230 230	180 212	208 224	218 230	
HAV-03	219 221	119 119	175 179	140 143	120 120	116 119	184 184	148 151	241 317	230 230	176 212	208 224	218 218	
HAV-04	219 221	116 119	175 191	140 146	120 120	125 125	184 184	151 151	241 349	230 230	180 212	208 208	218 218	
HAV-08	219 221	119 119	179 179	140 143	120 120	101 125	184 184	130 151	353 353	230 230	176 176	208 208	218 230	
HAV-09	219 221	119 119	191 191	143 146	120 120	125 125	184 184	148 151	241 343	230 230	176 180	208 208	218 230	
HAV-10	219 219	119 119	179 191	140 146	120 120	116 125	184 184	148 151	241 317	230 230	176 180	208 220	218 230	
COO-01	203 215	113 119	167 183	143 143	120 123	101 110	181 187	130 151	305 305	224 230	176 188	216 220	218 230	
COO-02	191 221	116 116	187 187	140 143	120 120	101 110	184 187	130 133	235 235	224 233	184 224	228 232	230 234	
COO-03	215 223	116 119	183 187	143 143	120 123	101 116	184 187	130 130	235 249	233 233	208 224	232 232	218 234	
COO-04	203 221	116 116	179 187	143 143	120 123	101 119	184 187	130 133	237 241	233 233	212 224	220 232	222 230	
COO-05	191 203	116 119	179 187	143 143	120 120	101 113	187 187	130 133	235 241	233 233	212 224	228 236	222 222	
COO-06	215 223	116 119	167 183	143 143	120 120	101 101	187 190	151 154	235 305	233 233	184 212	228 232	206 218	
COO-07	215 223	113 116	179 183	143 143	120 123	116 119	184 187	151 151	305 305	224 230	224 224	228 236	218 218	
COO-08	203 223	116 119	183 183	146 149	120 120	113 116	184 187	130 130	235 249	230 230	208 224	228 232	222 234	
COO-09	203 215	116 116	183 183	143 149	120 123	113 119	184 187	130 130	235 249	230 230	208 224	228 232	222 230	
COO-10	203 223	116 119	183 187	143 143	120 123	113 116	184 187	130 130	249 305	230 233	208 224	228 232	218 234	
COO-11	215 223	116 119	171 187	140 143	120 123	101 110	184 190	145 151	235 337	224 224	208 212	224 232	230 234	
BMB-01	221 221	116 119	171 191	140 143	120 120	110 110	184 184	154 154	345 345	230 233	176 208	204 208	218 226	
BMB-02	221 221	116 119	191 191	140 140	120 120	110 110	184 184	154 157	241 345	230 233	176 208	204 208	218 218	
BMB-03	221 221	116 119	191 195	140 143	120 120	110 113	184 184	154 157	241 345	230 230	176 208	204 204	218 218	
BMB-04	221 221	116 119	191 191	140 143	120 120	110 110	184 184	154 157	345 345	230 233	176 176	204 204	218 218	
BMB-05	221 221	116 122	171 171	140 143	120 120	101 110	184 184	154 154	305 305	000 000	208 208	208 208	226 226	
BMB-06	221 221	116 119	191 191	140 143	120 120	110 116	184 184	154 157	241 337	230 230	208 212	204 204	218 218	
BMB-07	221 221	116 119	171 191	140 143	120 120	110 110	184 184	154 157	337 345	230 233	208 212	204 208	218 226	

TABLE A1.1.—Continued.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
BMB-08	221 221	116 119	171 191	140 140	120 120	101 116	184 184	154 157	337 345	230 230	208 212	204 208	218 218	
BMB-09	221 223	116 119	171 187	140 143	120 120	110 116	184 184	154 154	337 337	230 230	176 212	204 208	218 218	
BMB-10	221 221	119 119	167 191	143 143	120 120	101 110	184 184	151 154	337 337	230 230	208 224	204 208	218 226	
BMB-11	221 221	119 119	179 187	143 143	120 120	101 110	184 184	154 154	337 337	227 230	208 224	204 208	218 218	
LSB-01	221 221	116 119	179 179	143 146	120 120	101 110	184 184	130 133	305 313	230 230	176 176	000 000	230 234	
LSB-02	215 221	119 119	179 179	143 143	120 120	101 101	184 184	130 130	305 305	230 233	176 180	000 000	218 218	
LSB-03	215 219	116 119	167 179	143 143	120 120	101 110	184 184	130 130	305 349	230 230	176 176	000 000	218 218	
LSB-04	219 219	116 119	167 179	143 143	120 120	101 101	184 193	133 145	305 345	230 233	176 176	000 000	230 230	
LSB-05	215 219	116 119	179 179	143 146	120 120	101 110	184 184	130 130	305 305	230 233	176 176	000 000	230 234	
LSB-06	219 223	116 119	179 179	143 146	120 120	101 110	184 184	133 145	243 305	230 230	176 180	000 000	218 230	
LSB-07	219 221	116 119	179 179	143 146	120 120	101 101	184 184	145 151	243 305	230 230	176 180	000 000	218 234	
LSB-08	215 223	116 116	167 179	143 146	120 120	101 101	184 184	130 151	243 305	230 230	176 212	000 000	218 218	
LSB-09	221 221	113 116	167 179	143 143	120 120	101 101	184 184	130 145	235 305	230 230	176 176	000 000	230 234	
LSB-10	219 221	113 116	179 179	143 143	120 120	101 101	184 184	130 142	305 305	230 233	176 176	000 000	218 230	
HIB-01	221 223	116 116	167 175	140 143	120 120	110 119	184 190	130 130	239 349	230 230	204 204	212 216	234 234	
HIB-02	223 223	116 116	175 175	143 143	120 120	110 110	184 187	130 151	345 349	224 230	204 220	220 220	222 234	
HIB-03	215 221	116 116	175 179	143 143	120 120	119 128	190 190	130 151	249 353	224 230	200 204	216 216	234 234	
HIB-04	221 221	116 116	167 175	140 146	120 120	110 128	184 190	130 151	353 353	230 230	200 204	212 220	234 234	
HIB-05	223 223	116 116	167 175	143 146	120 120	110 110	184 187	130 151	239 239	224 230	176 180	220 220	234 234	
HIB-06	221 223	116 116	167 175	143 143	120 120	101 110	190 190	133 133	239 349	230 230	220 220	212 220	222 234	
HIB-07	221 221	116 116	175 179	140 146	120 120	119 119	187 190	133 151	241 349	230 230	204 204	220 220	222 234	
HIB-08	221 223	116 119	179 179	143 143	120 120	119 119	184 190	130 151	349 357	230 230	204 204	216 220	222 234	
HIB-09	221 225	116 116	175 179	143 146	120 120	110 128	184 193	130 133	239 345	224 230	204 220	216 236	234 234	
HIB-10	221 223	116 116	175 179	143 146	120 120	110 128	184 187	130 151	239 349	224 230	200 204	212 216	234 234	
CBT-01	215 215	116 116	175 175	143 146	120 120	119 119	184 184	130 130	345 345	230 230	196 204	204 204	218 238	
CBT-02	215 221	116 116	175 175	143 143	120 120	119 119	184 184	130 142	345 345	230 233	176 196	204 204	234 238	
CBT-03	000 000	000 000	175 191	000 000	120 120	113 119	184 184	130 130	345 345	230 233	204 204	204 204	218 238	
CBT-04	221 221	116 116	203 203	143 146	120 120	101 119	184 184	130 130	345 345	230 233	176 180	204 204	218 234	

TABLE A1.1.—Continued.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
CBT-05	215 221	116 116	191 203	143 143	120 120	119 119	184 184	130 130	345 345	230 230	196 196	204 204	218 218	
CBT-06	215 221	116 116	175 203	143 143	120 120	119 119	184 184	130 130	345 345	230 230	176 180	204 232	234 238	
CBT-07	215 221	116 119	191 191	143 146	120 120	119 119	184 184	130 130	305 345	230 230	180 204	204 204	218 238	
CBT-08	221 221	116 116	191 203	143 146	120 120	101 119	184 184	130 130	345 345	230 233	176 180	204 204	218 234	
CBT-09	221 221	116 116	175 203	143 146	120 120	101 119	184 184	130 130	345 345	230 230	196 204	232 232	218 218	
FLA-01	217 221	110 116	175 179	140 146	120 120	101 119	184 193	130 148	297 303	221 230	176 200	248 248	214 222	
FLA-02	217 221	110 116	175 179	143 146	120 120	116 119	184 193	130 148	297 303	230 230	176 176	240 248	214 222	
FLA-03	217 221	110 113	179 179	143 143	120 120	101 110	181 193	133 133	297 303	230 230	176 200	232 232	218 218	
FLA-04	211 219	116 125	175 183	140 140	120 120	101 119	184 184	154 154	297 303	236 236	176 200	212 232	214 214	
FLA-05	219 221	110 125	175 183	140 143	120 120	101 119	184 184	148 148	297 303	230 236	200 200	232 248	214 214	
FLA-06	217 221	110 116	175 175	000 000	120 120	101 119	184 184	130 148	297 303	221 230	176 200	248 248	214 230	
FLA-07	219 221	110 110	175 183	140 143	120 120	101 110	184 184	148 154	237 297	236 236	176 176	232 248	214 214	
FLA-08	217 221	110 116	175 179	140 143	120 120	101 116	190 193	130 151	243 303	230 230	176 176	248 248	214 222	
FLA-09	217 219	113 119	179 179	140 146	120 120	116 116	193 193	148 154	243 301	230 230	176 200	208 216	218 222	
FLA-10	217 219	110 125	175 179	143 143	120 120	119 119	193 193	145 148	243 301	230 230	176 200	236 240	214 214	
FLA-11	217 219	110 113	175 179	140 143	120 120	119 119	184 184	148 154	237 297	230 230	176 176	216 216	214 214	
FLA-12	219 221	110 116	179 179	143 143	120 120	101 116	193 193	133 151	297 305	221 230	200 200	208 212	214 234	
FLA-13	217 221	110 125	175 179	143 143	120 120	101 119	184 184	130 133	305 305	230 230	184 200	212 248	222 234	
KRU-01	221 221	113 119	187 191	143 146	120 120	110 116	184 190	133 133	239 305	224 230	180 180	236 260	234 234	
KRU-02	217 221	119 119	175 191	146 146	120 120	110 116	190 190	130 133	305 305	230 236	180 180	212 236	206 230	
KRU-03	219 221	119 119	167 171	146 146	120 123	110 110	184 184	130 130	305 305	233 236	180 224	212 260	230 238	
KRU-04	219 219	113 119	179 191	143 146	120 120	116 116	184 193	133 133	241 305	230 230	180 180	212 236	214 230	
KRU-05	221 221	113 119	167 191	143 146	120 123	110 110	184 193	130 130	305 305	230 233	180 180	220 248	218 230	
KRU-06	217 221	113 119	167 175	140 143	120 123	110 110	184 193	130 133	239 305	230 233	176 180	232 248	218 218	
KRU-07	221 221	113 116	179 187	140 143	120 123	110 110	181 184	130 133	239 305	230 233	180 204	212 220	218 234	
KRU-08	217 219	113 116	175 179	143 143	120 120	110 110	181 184	133 154	237 301	221 230	176 204	208 220	230 230	
KRU-09	217 221	116 119	191 191	146 146	120 120	110 110	184 184	130 133	239 305	224 224	176 180	212 260	230 230	
KRU-10	221 221	113 119	175 175	143 143	120 123	110 119	181 184	133 148	239 305	230 230	180 180	260 260	218 234	

TABLE A1.1.—Continued.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
TUR-01	000 000	116 122	175 179	000 000	120 120	110 119	000 000	133 151	000 000	230 233	180 180	000 000	210 218	
TUR-02	221 221	110 110	175 175	146 146	120 120	110 125	184 184	151 151	239 239	221 230	176 212	208 212	214 230	
TUR-03	221 221	110 113	175 179	143 146	120 120	110 125	181 187	130 151	239 241	218 233	176 204	208 208	238 238	
TUR-04	217 221	110 110	167 167	140 143	120 120	101 110	181 193	151 151	239 321	230 230	204 212	212 228	230 230	
TUR-05	219 223	110 113	175 183	143 146	120 120	113 116	184 187	133 145	237 239	230 233	204 212	208 212	234 238	
TUR-06	217 225	110 110	175 175	140 146	120 120	110 110	181 184	148 151	241 341	230 233	180 184	208 212	218 238	
TUR-07	219 221	110 113	175 175	143 146	120 120	110 119	184 193	130 151	241 341	230 230	176 212	216 236	214 226	
TUR-08	219 221	113 113	175 179	143 143	120 120	110 125	181 184	130 151	241 341	230 233	180 204	208 212	230 238	
TUR-09	217 221	113 119	175 179	143 146	120 120	110 125	184 193	151 151	241 243	230 230	196 196	212 212	230 234	
TUR-10	219 219	110 119	171 175	140 143	120 120	110 125	184 184	151 151	239 241	230 233	204 212	204 260	226 238	
SOH-02	219 221	116 122	179 179	143 143	120 120	101 101	181 184	130 130	239 241	230 230	176 200	220 228	222 238	
SOH-03	219 221	113 119	179 179	140 143	120 120	101 101	184 184	130 133	239 337	230 230	176 208	212 212	222 246	
SOH-04	219 221	122 122	175 179	143 149	120 120	101 101	184 193	130 133	301 305	224 230	180 180	212 212	238 238	
SOH-05	219 221	113 113	167 179	143 146	120 120	101 101	184 184	133 133	241 305	230 233	184 204	208 228	230 238	
SOH-06	219 221	113 113	179 179	140 143	120 120	101 116	184 184	133 133	241 305	230 233	176 184	212 212	222 238	
SOH-07	219 219	119 122	179 179	143 143	120 120	116 116	184 184	130 130	241 241	233 233	176 200	212 212	222 222	
SOH-08	215 219	113 122	179 179	140 143	120 120	101 116	184 184	133 133	241 241	230 233	176 184	212 212	222 222	
SOH-09	219 221	119 122	179 179	143 143	120 120	101 116	184 184	130 133	241 241	233 233	184 220	212 260	222 222	
SOH-10	219 219	119 119	179 179	143 143	120 120	101 116	184 184	130 133	241 241	230 230	176 184	220 228	218 226	
SOH-12	219 221	113 113	179 179	140 143	120 120	101 116	184 184	133 133	241 305	230 233	200 200	212 228	222 222	
ROC-01	215 219	116 122	167 183	140 143	120 120	101 125	190 190	151 151	239 239	230 230	176 188	232 232	218 218	
ROC-02	000 000	116 116	175 175	140 140	120 120	101 125	190 196	136 151	239 239	230 233	176 176	000 000	218 238	
ROC-03	219 219	116 122	167 179	140 143	120 120	101 116	190 196	136 148	241 241	230 230	176 176	224 232	218 234	
ROC-04	215 219	116 122	179 183	140 143	120 120	116 125	196 196	148 151	241 241	233 233	176 188	224 224	218 234	
ROC-05	219 219	110 122	179 183	140 143	120 120	116 119	190 190	130 151	239 239	230 233	176 176	224 224	218 218	
ROC-06	219 219	116 122	175 183	140 143	120 120	101 101	190 196	130 133	239 305	230 230	176 188	220 224	238 238	
ROC-07	219 219	122 122	000 000	140 143	120 120	000 000	190 196	000 000	239 239	230 233	176 176	220 224	234 238	
ROC-08	219 219	116 116	175 179	140 143	120 120	000 000	196 196	148 151	241 241	233 233	176 176	212 224	218 234	
ROC-09	219 221	116 116	175 183	140 140	120 120	125 125	190 190	133 148	239 297	233 233	176 176	224 224	218 234	

TABLE A1.1.—Continued.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
ROC-10	219 219	116 116	179 183	140 143	120 120	116 125	196 196	151 151	239 241	233 233	176 188	224 224	218 234	
OAK-01	219 219	116 119	179 179	143 143	120 120	101 119	184 184	142 142	301 305	230 230	180 180	236 236	238 238	
OAK-02	223 223	116 119	179 197	143 143	120 120	101 101	184 184	142 142	301 305	230 230	180 180	236 236	238 238	
OAK-03	223 223	116 122	179 179	143 143	120 120	101 119	184 184	142 142	301 301	230 230	180 180	236 236	238 238	
OAK-04	219 223	116 122	179 179	143 143	120 120	101 110	184 184	142 151	301 305	230 230	180 220	236 236	222 238	
OAK-05	219 223	116 122	179 179	143 143	120 120	110 119	181 184	142 142	301 305	230 230	180 220	212 236	238 238	
OAK-06	219 223	116 116	179 179	143 143	120 120	101 119	184 184	142 142	239 305	230 230	204 220	236 236	222 238	
OAK-07	219 223	116 122	179 179	143 143	120 120	101 119	184 184	142 151	239 305	230 230	180 220	236 236	222 238	
OAK-08	219 223	116 122	179 183	143 143	120 120	101 119	184 184	142 142	301 305	230 230	180 204	236 236	238 238	
OAK-09	219 223	116 116	179 179	143 143	120 120	101 119	184 184	142 142	301 301	230 230	180 204	236 236	238 238	
OAK-10	219 223	000 000	179 179	143 143	120 120	101 119	181 184	142 151	239 305	230 230	180 220	212 236	238 238	
HAC-01	199 203	113 116	183 183	143 146	120 123	101 113	187 187	145 151	241 309	233 233	188 204	232 236	218 218	
HAC-02	217 219	113 113	179 179	149 149	120 120	101 101	184 190	151 151	241 243	230 233	176 200	232 236	238 238	
HAC-03	219 219	113 113	179 179	149 149	120 120	101 101	184 190	148 151	243 243	230 230	200 200	232 236	238 238	
HAC-04	217 223	116 116	179 179	143 149	120 120	101 119	184 184	139 142	301 305	230 230	180 212	236 236	222 238	
HAC-06	217 219	113 113	179 179	143 149	120 120	101 101	184 193	151 151	241 243	230 233	176 200	236 236	238 238	
HAC-07	217 219	113 113	175 187	143 149	120 123	101 110	190 193	133 148	241 301	230 230	176 200	212 216	222 238	
HAC-08	221 221	110 122	175 187	143 149	120 123	101 101	190 190	133 133	239 313	230 233	220 220	232 232	238 238	
HAC-09	217 219	110 113	179 179	143 149	120 120	101 101	184 193	133 151	241 243	230 233	200 200	232 236	238 238	
HAC-10	217 223	110 119	179 191	143 149	120 120	000 000	184 184	130 142	305 305	230 230	180 212	212 236	222 238	
HAC-11	217 223	110 119	179 179	143 149	120 120	119 119	184 184	130 142	305 305	230 230	180 212	236 236	222 238	
PTH-01	203 221	113 116	183 187	140 143	120 120	101 101	181 184	145 151	241 309	224 233	200 220	216 228	218 218	
PTH-02	211 223	113 119	179 183	140 143	120 120	110 116	181 187	133 151	237 243	230 233	180 204	232 280	206 206	
PTH-03	221 221	116 116	179 183	146 146	120 120	101 110	181 190	145 151	309 337	230 233	192 212	216 240	206 218	
PTH-04	203 215	116 116	183 183	143 143	120 120	110 116	181 184	145 151	241 241	224 227	188 204	220 232	218 218	
PTH-05	215 215	113 116	183 187	143 143	120 120	101 101	181 187	145 151	305 305	230 233	204 212	260 280	206 218	
PTH-06	211 223	116 116	179 183	140 143	120 123	110 110	190 193	151 151	243 333	221 233	184 184	216 232	218 222	
PTH-07	221 227	113 116	179 187	146 146	120 120	110 110	184 190	133 145	305 305	233 233	188 224	232 256	218 218	
PTH-08	215 215	113 116	179 183	143 146	120 120	101 110	184 187	145 151	241 305	221 233	204 212	216 232	206 218	



TABLE A1.1.—Continued.

Sample	Locus													
	<i>SfoB52</i>	<i>SfoC24</i>	<i>SfoC28</i>	<i>SfoC38</i>	<i>SfoC79</i>	<i>SfoC86</i>	<i>SfoC88</i>	<i>SfoC113</i>	<i>SfoC115</i>	<i>SfoC129</i>	<i>SfoD75</i>	<i>SfoD91</i>	<i>SfoD100</i>	
PTH-09	221 221	113 116	179 187	143 143	120 120	101 110	190 190	145 151	305 333	233 233	188 204	232 232	218 218	
PTH-10	221 221	113 116	187 187	140 149	120 120	113 119	181 190	133 145	235 235	233 236	188 196	232 240	218 226	
PTH-11	199 221	116 119	179 187	140 143	120 120	101 110	187 193	130 133	243 337	233 233	192 204	216 232	206 230	
PTH-12	221 221	113 113	179 183	143 143	120 120	101 113	181 184	145 145	243 305	221 227	192 212	220 232	218 222	
PTH-13	215 221	116 119	179 179	143 143	120 120	110 116	181 190	142 151	243 305	227 233	188 204	232 232	206 234	
PTH-14	211 221	113 116	183 199	146 146	120 120	110 110	190 193	145 145	241 241	230 233	184 212	228 232	206 222	
PTH-15	215 227	116 116	183 187	143 146	123 123	110 119	181 190	130 145	333 337	233 236	176 204	240 256	206 206	
PTH-16	221 221	113 116	179 187	143 143	120 123	110 113	184 190	145 151	305 309	218 233	180 192	216 220	206 230	
PTH-17	207 221	113 116	187 187	140 140	120 120	113 119	181 190	130 151	305 305	233 233	176 224	216 224	218 230	
PTH-18	215 215	116 116	179 183	143 143	120 120	101 101	181 184	142 145	237 249	233 233	188 204	216 232	206 234	
PTH-19	207 215	113 116	183 187	143 143	120 123	110 116	184 187	130 145	241 243	230 233	188 188	236 280	206 230	
PTH-20	203 203	116 116	183 183	140 143	120 120	101 119	187 187	133 145	305 309	221 221	192 204	224 236	218 218	

TABLE A1.2.—Allele frequencies, sample size ( $N$ ), observed heterozygosity by locus ( $H$ ), mean heterozygosity, and mean number of alleles per locus at 13 microsatellite DNA markers in brook trout from 23 collections from New Jersey. See Table 1 for collection abbreviations. Allele frequencies in bold italics indicate private alleles (found only in one collection).

Allele	Collection											
	FOR	VCB	IND	HWH	KUR	MAS	MPO	CRE	PRE	HAV	COO	BMB
	<i>SfoB52</i>											
$N$	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
191	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.200	0.000	0.000	0.000	0.091	0.000
199	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
203	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.273	0.000
207	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
211	0.000	0.111	0.000	0.000	0.000	0.000	0.100	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
215	0.000	0.056	0.000	0.375	0.000	0.000	0.350	0.000	0.273	0.000	0.273	0.000
217	0.000	0.000	0.000	0.063	0.000	0.778	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
219	0.278	0.222	0.091	0.188	0.778	0.000	0.000	0.000	0.000	0.571	0.000	0.000
221	0.500	0.444	0.045	0.375	0.167	0.222	0.350	0.500	0.364	0.357	0.091	0.955
223	0.222	0.167	0.864	0.000	0.056	0.000	0.000	0.500	0.000	0.071	0.273	0.045
225	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
227	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.364	0.000	0.000	0.000
$H$	0.444	0.889	0.273	0.750	0.444	0.222	0.700	0.636	0.909	0.857	1.000	0.091
	<i>SfoC24</i>											
$N$	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
110	0.167	0.000	0.000	0.063	0.389	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
113	0.056	0.000	0.045	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.091	0.000
116	0.556	0.000	0.591	0.938	0.278	1.000	0.950	0.909	0.000	0.214	0.591	0.409
119	0.222	1.000	0.227	0.000	0.000	0.000	0.000	0.091	1.000	0.786	0.318	0.545
122	0.000	0.000	0.136	0.000	0.333	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.045
125	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
$H$	0.889	0.000	0.636	0.125	0.444	0.000	0.100	0.182	0.000	0.429	0.727	0.818
	<i>SfoC28</i>											
$N$	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
167	0.056	0.222	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.091	0.045
171	0.000	0.000	0.000	0.000	0.167	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.045	0.273
175	0.389	0.500	0.182	0.125	0.111	0.667	0.000	0.500	0.000	0.214	0.000	0.000
177	<b>0.056</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
179	0.278	0.056	0.727	0.188	0.056	0.000	0.000	0.227	0.000	0.500	0.136	0.045
183	0.222	0.000	0.091	0.563	0.667	0.333	0.800	0.227	0.000	0.000	0.409	0.000
187	0.000	0.222	0.000	0.125	0.000	0.000	0.200	0.000	0.000	0.000	0.318	0.091
191	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.045	0.909	0.286	0.000	0.500
195	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.091	0.000	0.000	0.045
197	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
199	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
203	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
$H$	0.889	0.778	0.545	0.875	0.556	0.667	0.400	0.727	0.182	0.571	0.727	0.636

TABLE A1.2.—Extended.

Allele	Collection										
	LSB	HIB	CBT	FLA	KRU	TUR	SOH	ROC	OAK	HAC	PTH
<i>SfoB52</i>											
<i>N</i>	10	10	8	13	10	9	10	9	10	10	20
191	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
199	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.025
203	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.100
207	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.050</b>
211	0.000	0.000	0.000	0.038	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.075
215	0.200	0.050	0.375	0.000	0.000	0.000	0.050	0.111	0.000	0.000	0.250
217	0.000	0.000	0.000	0.346	0.200	0.167	0.000	0.000	0.000	0.350	0.000
219	0.350	0.000	0.000	0.269	0.200	0.278	0.600	0.833	0.450	0.300	0.000
221	0.350	0.500	0.625	0.346	0.600	0.444	0.350	0.056	0.000	0.100	0.400
223	0.100	0.400	0.000	0.000	0.000	0.056	0.000	0.000	0.550	0.150	0.050
225	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
227	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050
<i>H</i>	0.700	0.600	0.500	1.000	0.500	0.667	0.800	0.333	0.700	0.800	0.550
<i>SfoC24</i>											
<i>N</i>	10	10	8	13	10	10	10	10	9	10	20
110	0.000	0.000	0.000	0.462	0.000	0.500	0.000	0.050	0.000	0.200	0.000
113	0.100	0.000	0.000	0.115	0.350	0.300	0.400	0.000	0.000	0.500	0.325
116	0.500	0.950	0.938	0.231	0.150	0.050	0.050	0.600	0.611	0.150	0.600
119	0.400	0.050	0.063	0.038	0.500	0.100	0.250	0.000	0.111	0.100	0.075
122	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.300	0.350	0.278	0.050	0.000
125	0.000	0.000	0.000	<b>0.154</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.800	0.100	0.125	0.923	0.800	0.600	0.500	0.500	0.778	0.500	0.650
<i>SfoC28</i>											
<i>N</i>	10	10	9	13	10	10	10	9	10	10	20
167	0.200	0.200	0.000	0.000	0.150	0.100	0.050	0.111	0.000	0.000	0.000
171	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
175	0.000	0.500	0.389	0.423	0.250	0.600	0.050	0.278	0.000	0.100	0.000
177	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
179	0.800	0.300	0.000	0.462	0.150	0.200	0.900	0.278	0.900	0.650	0.300
183	0.000	0.000	0.000	0.115	0.000	0.050	0.000	0.333	0.050	0.100	0.375
187	0.000	0.000	0.000	0.000	0.100	0.000	0.000	0.000	0.000	0.100	0.300
191	0.000	0.000	0.278	0.000	0.300	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000
195	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
197	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.050</b>	0.000	0.000
199	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.025</b>
203	0.000	0.000	<b>0.333</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.400	0.800	0.556	0.692	0.800	0.600	0.200	0.889	0.200	0.300	0.750

TABLE A1.2.—Continued.

Allele	Collection											
	FOR	VCB	IND	HWH	KUR	MAS	MPO	CRE	PRE	HAV	COO	BMB
<i>SfoC38</i>												
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
140	0.000	0.000	0.045	0.000	0.722	0.000	0.000	0.364	0.000	0.429	0.091	0.500
143	1.000	0.722	0.864	0.375	0.056	0.667	0.650	0.636	0.455	0.357	0.773	0.500
146	0.000	0.278	0.045	0.625	0.222	0.333	0.200	0.000	0.545	0.214	0.045	0.000
149	0.000	0.000	0.045	0.000	0.000	0.000	0.150	0.000	0.000	0.000	0.091	0.000
<i>H</i>	0.000	0.333	0.182	0.250	0.556	0.667	0.300	0.545	0.545	1.000	0.364	0.636
<i>SfoC79</i>												
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
120	0.833	0.944	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	0.682	0.000
123	0.167	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.318	0.000
<i>H</i>	0.333	0.111	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.636	0.000
<i>SfoC86</i>												
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
101	0.611	0.722	0.500	0.375	0.167	0.556	0.150	0.545	0.000	0.071	0.364	0.182
110	0.222	0.000	0.045	0.563	0.778	0.000	0.400	0.091	0.545	0.000	0.136	0.636
113	0.000	0.167	0.045	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.455	0.000	0.182	0.045
116	0.056	0.000	0.000	0.063	0.000	0.000	0.450	0.136	0.000	0.143	0.182	0.136
119	0.111	0.111	0.409	0.000	0.056	0.444	0.000	0.000	0.000	0.143	0.136	0.000
122	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.227</b>	0.000	0.000	0.000	0.000
125	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.643	0.000	0.000
128	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.333	0.333	0.818	0.500	0.222	0.667	0.700	0.727	0.364	0.571	0.909	0.636
<i>SfoC88</i>												
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
181	0.167	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.550	0.000	0.000	0.000	0.045	0.000
184	0.667	0.444	0.636	0.000	0.611	0.444	0.150	0.000	0.909	1.000	0.364	0.000
187	0.111	0.333	0.000	0.438	0.389	0.167	0.050	0.091	0.091	0.000	0.500	0.000
190	0.056	0.111	0.318	0.438	0.000	0.389	0.000	0.318	0.000	0.000	0.091	0.000
193	0.000	0.111	0.000	0.125	0.000	0.000	0.250	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
196	0.000	0.000	0.045	0.000	0.000	0.000	0.000	0.591	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.556	0.444	0.455	0.750	0.333	0.778	0.800	0.364	0.182	0.000	0.909	0.000
<i>SfoC113</i>												
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
124	0.000	<b>0.056</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
130	0.278	0.056	0.000	0.500	0.167	0.000	0.400	0.136	0.000	0.143	0.545	0.000
133	0.000	0.222	0.545	0.125	0.056	0.000	0.000	0.727	0.000	0.000	0.136	0.000
136	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
139	0.000	0.000	0.000	0.313	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
142	0.111	0.278	0.000	0.000	0.000	0.000	0.100	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
145	0.111	0.278	0.000	0.063	0.000	0.000	0.050	0.000	0.773	0.143	0.045	0.000
148	0.111	0.000	0.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.214	0.000	0.000
151	0.389	0.056	0.273	0.000	0.333	1.000	0.450	0.136	0.000	0.500	0.227	0.045
154	0.000	0.056	0.000	0.000	0.444	0.000	0.000	0.000	0.227	0.000	0.045	0.682
157	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.273</b>
<i>H</i>	0.778	0.667	0.727	0.875	0.667	0.000	0.800	0.545	0.455	0.857	0.545	0.636

TABLE A1.2.—Extended.

Allele	Collection										
	LSB	HIB	CBT	FLA	KRU	TUR	SOH	ROC	OAK	HAC	PTH
<i>SfoC38</i>											
<i>N</i>	10	10	8	12	10	9	10	10	10	10	20
140	0.000	0.150	0.000	0.333	0.100	0.167	0.200	0.600	0.000	0.000	0.200
143	0.750	0.600	0.688	0.542	0.450	0.444	0.700	0.400	1.000	0.400	0.575
146	0.250	0.250	0.313	0.125	0.450	0.389	0.050	0.000	0.000	0.050	0.200
149	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.550	0.025
<i>H</i>	0.500	0.600	0.625	0.583	0.500	0.778	0.600	0.800	0.000	0.800	0.400
<i>SfoC79</i>											
<i>N</i>	10	10	9	13	10	10	10	10	10	10	20
120	1.000	1.000	1.000	1.000	0.750	1.000	1.000	1.000	1.000	0.850	0.875
123	0.000	0.000	0.000	0.000	0.250	0.000	0.000	0.000	0.000	0.150	0.125
<i>H</i>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.500	0.000	0.000	0.000	0.000	0.300	0.150
<i>SfoC86</i>											
<i>N</i>	10	10	9	13	10	10	10	8	10	9	20
101	0.800	0.050	0.167	0.346	0.000	0.050	0.650	0.313	0.500	0.722	0.300
110	0.200	0.450	0.000	0.077	0.750	0.500	0.000	0.000	0.100	0.056	0.400
113	0.000	0.000	0.056	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.056	0.100
116	0.000	0.000	0.000	0.192	0.200	0.050	0.350	0.250	0.000	0.000	0.100
119	0.000	0.300	0.778	0.385	0.050	0.100	0.000	0.063	0.400	0.167	0.100
122	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
125	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.250	0.000	0.375	0.000	0.000	0.000
128	0.000	<b>0.200</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.400	0.600	0.444	0.769	0.300	0.900	0.500	0.750	0.900	0.333	0.700
<i>SfoC88</i>											
<i>N</i>	10	10	9	13	10	9	10	10	10	10	20
181	0.000	0.000	0.000	0.038	0.150	0.222	0.050	0.000	0.100	0.000	0.275
184	0.950	0.350	1.000	0.538	0.550	0.500	0.900	0.000	0.900	0.500	0.200
187	0.000	0.200	0.000	0.000	0.000	0.111	0.000	0.000	0.000	0.100	0.175
190	0.000	0.400	0.000	0.038	0.150	0.000	0.000	0.500	0.000	0.250	0.275
193	0.050	0.050	0.000	0.385	0.150	0.167	0.050	0.000	0.000	0.150	0.075
196	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.500	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.100	0.800	0.000	0.308	0.700	0.778	0.200	0.400	0.200	0.500	0.900
<i>SfoC113</i>											
<i>N</i>	10	10	9	13	10	10	10	9	10	10	20
124	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
130	0.500	0.450	0.944	0.192	0.400	0.150	0.400	0.111	0.000	0.100	0.100
133	0.150	0.200	0.000	0.154	0.500	0.100	0.600	0.111	0.000	0.200	0.125
136	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.111</b>	0.000	0.000	0.000
139	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000
142	0.050	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.850	0.150	0.050
145	0.200	0.000	0.000	0.038	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.050	0.425
148	0.000	0.000	0.000	0.346	0.050	0.050	0.000	0.222	0.000	0.100	0.000
151	0.100	0.350	0.000	0.077	0.000	0.650	0.000	0.444	0.150	0.350	0.300
154	0.000	0.000	0.000	0.192	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
157	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.700	0.800	0.111	0.769	0.600	0.600	0.400	0.778	0.300	0.700	0.850

TABLE A1.2.—Continued.

Allele	Collection											
	FOR	VCB	IND	HWH	KUR	MAS	MPO	CRE	PRE	HAV	COO	BMB
	<i>SfoC115</i>											
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	10	11	7	11	11
235	0.000	0.000	0.182	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.364	0.000
237	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.150	0.000	0.000	0.000	0.045	0.000
239	0.222	0.111	0.227	0.000	0.000	0.000	0.150	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
241	0.278	0.056	0.091	0.250	0.556	0.000	0.100	0.000	0.000	0.429	0.091	0.136
243	0.500	0.333	0.364	0.250	0.444	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
249	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.182	0.000
297	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.150	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
301	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	1.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
303	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
305	0.000	0.278	0.000	0.188	0.000	0.000	0.450	0.000	0.000	0.000	0.273	0.091
309	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
313	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
317	0.000	0.000	0.000	0.313	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.143	0.000	0.000
321	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
325	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.450	0.000	0.000	0.000	0.000
329	0.000	<b>0.056</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
333	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.550	0.000	0.000	0.000	0.000
337	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.045	0.409
341	0.000	0.000	0.136	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
343	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.071</b>	0.000	0.000
345	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.136	0.071	0.000	0.364
349	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.143	0.000	0.000
353	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.864	0.143	0.000	0.000
357	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.667	1.000	1.000	1.000	0.667	0.000	0.800	0.700	0.273	0.857	0.727	0.455
	<i>SfoC129</i>											
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	10
218	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
221	0.389	0.444	0.273	0.000	0.611	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
224	0.111	0.222	0.000	0.063	0.000	0.000	0.150	0.000	0.000	0.000	0.227	0.000
227	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.100	0.000	0.545	0.000	0.000	0.050
230	0.500	0.333	0.682	0.500	0.389	0.556	0.550	1.000	0.455	1.000	0.318	0.750
233	0.000	0.000	0.045	0.438	0.000	0.444	0.150	0.000	0.000	0.000	0.455	0.200
236	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.556	0.444	0.364	0.750	0.556	0.444	0.600	0.000	0.364	0.000	0.364	0.500

TABLE A1.2.—Extended.

Allele	Collection										
	LSB	HIB	CBT	FLA	KRU	TUR	SOH	ROC	OAK	HAC	PTH
	<i>SfoC115</i>										
<i>N</i>	10	10	9	13	10	9	10	10	10	10	20
235	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050
237	0.000	0.000	0.000	0.077	0.050	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050
239	0.000	0.300	0.000	0.000	0.250	0.333	0.100	0.550	0.150	0.050	0.000
241	0.000	0.050	0.000	0.000	0.050	0.333	0.600	0.350	0.000	0.250	0.175
243	0.150	0.000	0.000	0.115	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.250	0.150
249	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.025
297	0.000	0.000	0.000	0.346	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000
301	0.000	0.000	0.000	0.077	0.050	0.000	0.050	0.000	0.450	0.100	0.000
303	0.000	0.000	0.000	<b>0.269</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
305	0.650	0.000	0.056	0.115	0.600	0.000	0.200	0.050	0.400	0.250	0.300
309	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.100
313	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000
317	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
321	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.056</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
325	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
329	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
333	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.075
337	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.075
341	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.167	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
343	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
345	0.050	0.100	0.944	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
349	0.050	0.300	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
353	0.000	0.150	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
357	0.000	<b>0.050</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.700	0.800	0.111	0.923	0.700	0.889	0.600	0.300	0.800	0.700	0.700
	<i>SfoC129</i>										
<i>N</i>	10	10	9	13	10	10	10	10	10	10	20
218	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.025
221	0.000	0.000	0.000	0.115	0.050	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.125
224	0.000	0.250	0.000	0.000	0.150	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.050
227	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.075
230	0.800	0.750	0.778	0.692	0.500	0.600	0.550	0.450	1.000	0.700	0.125
233	0.200	0.000	0.222	0.000	0.200	0.300	0.400	0.550	0.000	0.300	0.550
236	0.000	0.000	0.000	0.192	0.100	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050
<i>H</i>	0.400	0.500	0.444	0.308	0.700	0.700	0.500	0.300	0.000	0.400	0.700

TABLE A1.2.—Continued.

Allele	Collection											
	FOR	VCB	IND	HWH	KUR	MAS	MPO	CRE	PRE	HAV	COO	BMB
	<i>SfoD75</i>											
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	9	11	11	7	11	11
176	0.278	0.389	0.273	0.063	0.056	0.000	0.056	0.000	0.000	0.429	0.045	0.273
180	0.111	0.056	0.455	0.438	0.111	0.000	0.000	0.364	0.136	0.357	0.000	0.000
184	0.000	0.056	0.091	0.000	0.000	0.000	0.222	0.182	0.000	0.000	0.091	0.000
188	0.167	0.000	0.045	0.000	0.000	0.000	0.111	0.136	0.000	0.000	0.045	0.000
192	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.318	0.000	0.000	0.000	0.000
196	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
200	0.167	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
204	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.556	0.000	0.318	0.000	0.000	0.000
208	0.278	0.278	0.000	0.000	0.333	0.667	0.056	0.000	0.000	0.000	0.227	0.455
212	0.000	0.167	0.000	0.000	0.000	0.333	0.000	0.000	0.545	0.214	0.182	0.182
216	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.222</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
220	0.000	0.000	0.000	0.500	0.278	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
224	0.000	0.000	0.136	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.409	0.091
<i>H</i>	0.889	0.667	0.818	0.500	1.000	0.444	0.778	0.909	0.545	0.857	0.909	0.818
	<i>SfoD91</i>											
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
204	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.591
208	0.000	0.000	0.000	0.313	0.222	0.000	0.000	0.000	0.909	0.643	0.000	0.409
212	0.000	0.056	0.182	0.125	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
216	0.056	0.389	0.000	0.000	0.000	0.500	0.050	0.727	0.000	0.000	0.045	0.000
220	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.091	0.143	0.091	0.000
224	0.000	0.222	0.000	0.313	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.214	0.045	0.000
228	0.111	0.000	0.045	0.250	0.000	0.500	0.450	0.000	0.000	0.000	0.318	0.000
232	0.111	0.167	0.091	0.000	0.000	0.000	0.250	0.000	0.000	0.000	0.409	0.000
236	0.222	0.111	0.227	0.000	0.611	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.091	0.000
240	0.056	0.000	0.455	0.000	0.000	0.000	0.000	0.273	0.000	0.000	0.000	0.000
244	0.056	0.000	0.000	0.000	0.167	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
248	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
252	0.056	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
256	0.167	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
260	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.250	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
280	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	1.000	0.667	0.909	0.625	0.556	0.556	0.900	0.545	0.182	0.571	0.909	0.636



TABLE A1.2.—Extended.

Allele	Collection										
	LSB	HIB	CBT	FLA	KRU	TUR	SOH	ROC	OAK	HAC	PTH
<i>SfoD75</i>											
<i>N</i>	10	10	9	13	10	10	10	10	10	10	20
176	0.800	0.050	0.222	0.538	0.150	0.150	0.300	0.800	0.000	0.150	0.050
180	0.150	0.050	0.222	0.000	0.700	0.200	0.100	0.000	0.600	0.150	0.050
184	0.000	0.000	0.000	0.038	0.000	0.050	0.250	0.000	0.000	0.000	0.075
188	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.200	0.000	0.050	0.200
192	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.125
196	0.000	0.000	0.278	0.000	0.000	0.100	0.000	0.000	0.000	0.000	0.025
200	0.000	0.150	0.000	0.423	0.000	0.000	0.200	0.000	0.000	0.350	0.025
204	0.000	0.550	0.278	0.000	0.100	0.250	0.050	0.000	0.150	0.050	0.250
208	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000
212	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.250	0.000	0.000	0.000	0.150	0.125
216	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
220	0.000	0.200	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.250	0.100	0.025
224	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050
<i>H</i>	0.400	0.600	0.778	0.538	0.500	0.800	0.800	0.400	0.700	0.700	0.900
<i>SfoD91</i>											
<i>N</i>	0	10	9	13	10	9	10	9	10	10	20
204	0.000	0.000	0.833	0.000	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
208	0.000	0.000	0.000	0.077	0.050	0.333	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000
212	0.000	0.200	0.000	0.115	0.250	0.389	0.600	0.056	0.100	0.100	0.000
216	0.000	0.300	0.000	0.115	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.050	0.200
220	0.000	0.450	0.000	0.000	0.150	0.000	0.100	0.111	0.000	0.000	0.075
224	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.667	0.000	0.000	0.050
228	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.056	0.200	0.000	0.000	0.000	0.050
232	0.000	0.000	0.167	0.192	0.050	0.000	0.000	0.167	0.000	0.300	0.350
236	0.000	0.050	0.000	0.038	0.150	0.056	0.000	0.000	0.900	0.550	0.050
240	0.000	0.000	0.000	0.077	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.075
244	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
248	0.000	0.000	0.000	0.385	0.100	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
252	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
256	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050
260	0.000	0.000	0.000	0.000	0.250	0.056	0.050	0.000	0.000	0.000	0.025
280	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.075</b>
<i>H</i>	0.000	0.600	0.111	0.615	0.900	0.778	0.500	0.444	0.200	0.600	0.900

TABLE A1.2.—Continued.

Allele	Collection											
	FOR	VCB	IND	HWH	KUR	MAS	MPO	CRE	PRE	HAV	COO	BMB
	<i>SfoD100</i>											
<i>N</i>	9	9	11	8	9	9	10	11	11	7	11	11
206	0.000	0.000	0.000	0.125	0.000	0.000	0.200	0.000	0.000	0.000	0.045	0.000
210	0.000	0.056	0.409	0.000	0.222	0.000	0.250	0.409	0.000	0.000	0.000	0.000
214	0.000	0.222	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
218	0.444	0.333	0.318	0.250	0.000	1.000	0.550	0.409	0.000	0.714	0.273	0.773
222	0.000	0.056	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.227	0.000
226	0.278	0.111	0.000	0.000	0.389	0.000	0.000	0.000	0.273	0.000	0.000	0.227
230	0.000	0.000	0.000	0.375	0.000	0.000	0.000	0.000	0.727	0.286	0.227	0.000
234	0.056	0.111	0.136	0.125	0.000	0.000	0.000	0.182	0.000	0.000	0.227	0.000
238	0.111	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
242	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.333</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
246	0.000	0.000	0.136	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
258	0.000	0.000	0.000	<b>0.125</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
270	0.000	0.000	0.000	0.000	<b>0.056</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
274	0.056	0.111	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
282	<b>0.056</b>	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.667	0.778	0.818	0.750	0.778	0.000	0.600	0.727	0.545	0.571	0.818	0.273
	<b>Means and SEs</b>											
<i>H</i>	0.615	0.547	0.580	0.596	0.521	0.342	0.575	0.508	0.350	0.549	0.734	0.472
SE	0.079	0.083	0.085	0.085	0.069	0.087	0.080	0.080	0.070	0.098	0.58	0.080
Alleles	4.31	4.46	3.62	3.23	3.00	1.69	3.46	2.54	2.00	2.77	4.54	2.85
SE	0.67	0.62	0.31	0.30	0.30	0.17	0.35	0.29	0.16	0.39	0.35	0.39

TABLE A1.2.—Extended.

Allele	Collection										
	LSB	HIB	CBT	FLA	KRU	TUR	SOH	ROC	OAK	HAC	PTH
	<i>SfoD100</i>										
<i>N</i>	10	10	9	13	10	10	10	10	10	10	20
206	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.325
210	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
214	0.000	0.000	0.000	0.577	0.050	0.100	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
218	0.450	0.000	0.500	0.115	0.250	0.100	0.050	0.500	0.000	0.100	0.425
222	0.000	0.200	0.000	0.192	0.000	0.000	0.550	0.000	0.150	0.200	0.075
226	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.100	0.050	0.000	0.000	0.000	0.025
230	0.350	0.000	0.000	0.038	0.400	0.250	0.050	0.000	0.000	0.000	0.100
234	0.200	0.800	0.222	0.077	0.200	0.100	0.000	0.300	0.000	0.000	0.050
238	0.000	0.000	0.278	0.000	0.050	0.300	0.250	0.200	0.850	0.700	0.000
242	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
246	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.050	0.000	0.000	0.000	0.000
258	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
270	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
274	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
282	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>H</i>	0.600	0.400	0.778	0.538	0.600	0.800	0.500	0.700	0.300	0.400	0.650
	<b>Means and SEs</b>										
<i>H</i>	0.475	0.554	0.353	0.613	0.623	0.684	0.469	0.507	0.391	0.541	0.677
SE	0.071	0.071	0.080	0.079	0.046	0.064	0.063	0.072	0.093	0.052	0.060
Alleles	2.92	3.38	2.23	4.15	4.23	4.92	3.69	3.00	2.15	4.54	6.08
SE	0.42	0.43	0.23	0.45	0.41	0.46	0.47	0.32	0.22	0.50	0.76